

東京大学大学院 第1回生物統計情報学セミナー

# 生物統計分野における 展望的デザイン・解析

事前申込優先・200名

セミナー・参加無料

2017

2/28 火

15:00-17:40

- 14:40 開場 -

## 鉄門記念講堂

東京大学・本郷キャンパス内

医学部教育研究棟・14F

- 丸ノ内線  
都営大江戸線  
本郷三丁目駅  
徒歩 10 分
- 千代田線  
湯島駅 / 根津駅  
徒歩 15 分
- 南北線  
東大前駅  
徒歩 20 分



15:10 -16:10

日本の医薬品開発における最近の統計的課題

平川 晃弘

名古屋大学医学部附属病院 先端医療・臨床研究支援センター 講師(統計解析室 室長)

近年の医薬品開発の合理化に伴い、生物統計家は、より効率的な試験デザインや、薬剤効果をより適切に評価できる解析法を積極的に提案していく必要がある。本発表では、その例として、希少疾患領域におけるベイズ流デザインおよび疾患レジストリの活用について紹介する。また、薬剤の作用メカニズムによっては、慣例的に採用してきた試験デザインやエンドポイントを見直す必要もある。本発表では、がん分子標的薬の第I相試験を例に挙げて、この問題についても考える。

16:10 -17:40

Issues and concerns of some conventional analytic methods  
— Moving beyond the comfort zone —

宇野 一

Dana-Faber Cancer Institute  
/ Harvard Medical School, Assistant Professor

The primary goal of conducting a clinical study is to obtain robust, clinically interpretable risk-benefit information for patients in a well-defined target population via efficient and reliable inference procedures. Nowadays, some statistical analytic methods have become almost routine. For example, the hazard ratio has been routinely used to summarize the difference between treatment groups with time-to-event data. However, the interpretation of the resulting estimate is not obvious clinically. Even though the issues of the hazard ratio have been studied extensively, and robust alternatives have been proposed in the statistical literature, it seems that such critical information has not broadly reached the larger community of health science researchers. In this talk, we share issues and concerns of such a model-based summary of the between-group difference. We also discuss model-free, clinically interpretable alternative summary measures. (言語: 日本語)

※当日は撮影を実施致します。ご参加される皆様は映らないように致しますが、ご留意頂ければ幸いです。  
※本セミナーは、国立研究開発法人日本医療研究開発機構 (AMED) 「生物統計家育成支援事業」の支援によって実施されます。



お申込みはこちらから

スマートフォン・パソコンからご登録受付中です。  
<http://peatix.com/event/233986>